刘同同,刘诗琦,袁丽丽,等.亚磷酸脱氢酶作为筛选标记基因在水稻遗传转化中的应用[J].华中农业大学学报,2022,41(2):98-104. DOI:10.13300/j.cnki.hnlkxb.2022.02.012

亚磷酸脱氢酶作为筛选标记基因 在水稻遗传转化中的应用

刘同同,刘诗琦,袁丽丽,王创

华中农业大学资源与环境学院/微量元素研究中心/ 华中农业大学农业农村部长江中下游耕地保育重点实验室,武汉 430070

摘要 为筛选标记基因用于植物遗传转化,采用组织培养、营养液筛选和叶面喷施等手段,综合评价了具有高催化活性的亚磷酸脱氢酶基因 $ptxD_Q$ 作为筛选标记基因用于水稻遗传转化的潜力。结果显示, $ptxD_Q$ 基因作为筛选标记基因时,抗性愈伤的筛选效率为44.37%~47.28%,显著高于潮霉素和草胺磷等抗性基因的筛选效率。获得的转基因阳性幼苗,可利用以亚磷酸盐为唯一磷源的培养液,通过简单培养即可筛选出阳性转基因幼苗。此外,还建立了通过叶面喷施亚磷酸盐筛选转基因幼苗的方法。相比目前的抗生素和除草剂类筛选系统,亚磷酸盐更廉价且不会造成环境污染。同时,作为一种正向筛选系统具有较高的筛选效率,在农作物转基因研究和农业可持续发展中具有潜在价值。

关键词 遗传转化;筛选标记;亚磷酸脱氢酶;亚磷酸;水稻

中图分类号 Q785 文献标识码 A 文章编号 1000-2421(2022)02-0098-07

建立在重组 DNA 技术基础上的遗传转化技术,帮助研究者将内源或外源目的基因转入植物^[1]、动物^[2]和微生物^[3-4]中。遗传转化技术在工业、农业和医药等领域的发展,对人类经济的发展和生活条件的改善做出了重要贡献。作为最重要的粮食作物之一,利用遗传转化进行水稻品种改良日趋成为研究重点^[5-6]。目前,常用的植物遗传转化方法有农杆菌介导法、基因枪法和聚乙二醇(PEG)介导法等。农杆菌介导法是迄今为止应用最早、研究最深入、应用最广泛且技术相对成熟的转基因方法^[7]。

在遗传转化过程中,为了从大量的受体细胞中快速准确地筛选出阳性转化子,人们会将筛选标记基因和目的基因共同导入受体细胞^[8-9]。因此,发展安全高效且易于操作的筛选标记基因成为基因工程研究的热点之一。微生物遗传转化中常使用抗药性基因和营养缺陷互补基因进行筛选^[3]。除了应用以上基因,动物遗传转化中还会使用荧光标记基因进行筛选^[10]。目前植物遗传转化中广泛应用的筛选标记主要有抗生素抗性基因和抗除草剂基因^[11-12],但

是当转基因植物创制完成后,筛选标记基因将失去利用价值,甚至存在潜在的危害^[13-15],主要表现在以下几方面:(1)转基因植物在开放环境下有可能与野生杂草发生自然杂交,使杂草对现有除草剂产生免疫作用;(2)筛选标记基因可能传播其他生物体抗性基因。但是当创制完成转基因植物后,筛选标记基因将失去利用价值,甚至其存在会造成生态失衡,可能会产生"超级害虫";(3)转基因作物加工成的食品中携带筛选标记基因,可能对人和动物的健康有害。因此,提高转基因植物筛选标记基因安全性成为研究热点,使用无争议的生物安全标记基因是直接又有效的解决策略^[16]。

磷是植物生长所必需的大量元素之一,但是植物只能利用五价的正磷酸盐(phosphate,Pi)作为磷源。亚磷酸盐(phosphite,Phi)是一种三价的磷酸盐,可以通过磷酸盐转运系统被植物体吸收,但是不能被植物代谢。因此,Phi不能作为一种植物磷源供植物生长,甚至会对植物的生长发育产生抑制作用^[17]。与植物不同,自然界中部分微生物含有亚磷酸脱氢

酶基因(ptxD),能够将吸收的 Phi 氧化为 Pi,进而参与生理代谢。因此,这些微生物能够吸收和利用 Phi 作为磷源。最早的 ptxD基因克隆于假单胞菌 WM88中[18],随后,Hirota 等[19] 从罗尔斯通菌 4506(Ralstonia sp. strain 4506)中分离得到活性更高的亚磷酸脱氢酶基因($ptxD_{R4506}$)。前期研究中,笔者所在研究团队利用定向进化技术改造了 $ptxD_{R4506}$ 基因,获得了催化效率更高的亚磷酸脱氢酶基因($ptxD_Q$),转化 $ptxD_Q$ 基因的水稻和拟南芥,能在低磷和正常供磷条件下,吸收和利用 Phi 为磷源[20]。本研究利用农杆菌介导法,建立以 $ptxD_Q$ 作为筛选标记基因的水稻遗传转化体系,以期为开发安全高效的筛选标记基因用于作物遗传转化提供理论依据。

1 材料与方法

1.1 材料

供试粳稻品种为中花 $11(Oryza\ sativa\ L.\ ssp.\ japonica\ cv.\ Zhonghua\ 11, ZH11)$ 。水稻表达载体为pCAMBIA1300和pTF101-Ubi,其筛选标记分别为潮霉素抗性基因(Hyg)和草铵膦抗性基因(Bar)。所用大肠杆菌菌株为DH5 α ,农杆菌菌株为EHA105。

1.2 载体构建

首先用限制性内切酶 BamHI 分别对 2个载体进行酶切,然后用 $AxygPrep\ DNA$ 凝胶回收试剂盒(康宁生命科学有限公司)回收线性化的载体。同时,利用 PCR 扩增我们前期改良的亚磷酸脱氢酶基因 $ptx-D_Q^{[20]}$,引物序列 $ptxD_Q$ -F: tgcaggtcgactctagagAT-GAAGCCGAAGGTGGTCCT, $ptxD_Q$ -R: tcgagctcggtacccgggTTAGGCGGCCTTCACGCCTGGGT,基因全长 1 008 bp。按照无缝克隆试剂盒(苏州神洲基因有限公司)的说明步骤,将 PCR 产物和线性化载体进行连接,连接产物转入中大肠杆菌菌株 $DH5\alpha$ 中。利用菌液 PCR 进行阳性克隆筛选并测序验证,然后将载体转化农杆菌菌株 EHA105。

1.3 农杆菌介导的水稻转基因过程

1)水稻愈伤组织的诱导与增殖。挑选饱满且无病菌感染的 ZH11水稻种子,表面灭菌后在水稻愈伤诱导培养基 R1(NB+2.0 mg/L 2,4-D+0.5 g/L 脯氨酸+0.3 g/L 水解酪蛋白+30 g/L 蔗糖+4.0 g/L 非特胶)上诱导愈伤。挑选健康的愈伤组织于继代培养基(R1+0.5 g/L 谷氨酰胺)上培养2周。将长到一定大小的水稻愈伤颗粒挑出,放入 OD 值为 0.5 的农杆菌菌悬液中侵染 30 min,然后将愈伤组织置于共

培养基上 25 °C暗培养 2.5 d。水稻愈伤组织培养的基础培养基为 NB,由 N6 大量元素、B5 微量元素和有机物配制而成。N6 培养基中包括: 28 mmol/L KNO₃、2.9 mmol/L KH₂PO₄、3.5 mmol/L (NH₄) $_2$ SO₄、1.1 mmol/L CaCl₂、0.75 mmol/L MgSO₄。B5 培养基中包括:4.5 µmol/L KI、48.5 µmol/L H₃BO₃、59.2 µmol/L MnSO₄、12.4 µmol/L ZnSO₄、1 µmol/L Na₂MoO₄、0.1 µmol/L CuSO₄、0.1 µmol/L CoCl₂。有机物包括:1 mg/L 盐酸吡哆醇(VB₆)、1 mg/L 烟酸、10 mg/mL 盐酸硫胺素(VB₁)及 10 mg/mL 肌醇。

2)水稻愈伤组织的筛选。将愈伤组织取出,清洗干净后置于选择培养基(R1+筛选剂)上筛选阳性愈伤,其中亚磷酸盐筛选培养基Phi-1(将R1培养基中的2.9 mmol/L KH_2PO_4 替换成1.5 mmol/L $H_3PO_3+0.5$ mmol/L KH_2PO_4),Phi-2(将R1培养基中的2.9 mmol/L KH_2PO_4)均无需额外添加抗生素。pCAMBIA1300-PtxD_Q菌液侵染后的愈伤组织分别用50 mg/L潮霉素、Phi-1和Phi-2进行筛选,PTF101-PtxD_Q菌液侵染后的愈伤组织分别用25 mg/L草铵膦、Phi-1和Phi-2进行筛选。14 d更换1次培养基,经过3轮选择培养后统计筛选效率。

挑取生理状态良好的抗性愈伤组织转入分化培养基(NB+0.5 g/L 脯氨酸+0.5 g/L 谷氨酰胺+0.3 g/L 水解酪蛋白+30 g/L 蔗糖+30 g/L 山梨醇+8.0 g/L 琼脂)中,26 ℃培养箱中培养约 30 d,待幼苗长至5 cm左右转入生根培养基(NB+20 g/L 蔗糖+6 g/L 琼脂)中培养2 周左右,获得转基因水稻幼苗。

1.4 转化植株分子检测

TPS 法提取基因组 DNA, 取 50 mg 转基因植物叶片,加入 500 μ L TPS 抽提液 (100 mmol/L Tris-HCl, 100 mmol/L EDTA, 1 mol/L KCl)研磨成匀浆后,75 $^{\circ}$ 企 属浴孵育 30 min, 12 000 r/min 离心 10 min,取上清于新的离心管中,加入等体积的异丙醇,室温放置 10 min,12 000 r/min 离心 10 min,去除上清,加入 500 μ L 75% 乙醇漂洗沉淀 2次,室温放置 10 min风干表面残留乙醇,加 30 μ L 灭菌 ddH₂O 溶解沉淀。

以转基因植物的 DNA 作为模板,使用 $ptxD_Q$ 引物 $(ptxD_Q$ -F和 $ptxD_Q$ -R)和康为世纪 $2\times$ Es Taq Master Mix 进行 PCR 扩增, PCR 程序根据说明书进行设置。通过琼脂糖凝胶电泳分离扩增出的条带,条带

大小1008 bp的为阳性植株。

1.5 水稻的营养液培养实验

选取饱满的水稻种子,浸泡在适量体积的1% 硝酸溶液中,于黑暗的28℃培养箱中破休眠12h, 纯水冲洗后,于黑暗的28℃培养箱中发芽2~3 d, 直 到大部分种子完全露白。将种子播种于育苗盆中 培养10d,挑选长势一致的幼苗,转移到培养盒中, 5 d更换1次营养液。营养液按照国际水稻研究所 水稻营养液培养配方 Yoshida solution 配制,主要包 括 1.425 mmol/L NH₄NO₃、0.513 mmol/L K₂SO₄、 0.998 mmol/L CaCl₂, 1.643 mmol/L MgSO₄, 0.25 mmol/L Na₂SiO₃, 0.009 mmol/L MnCl₂, 0.075 μmol/L (NH₄)₆Mo₇O₂₄, 0.019 μmol/L H₃BO₃, 0.155 μ mol/L CuSO₄、0.152 μ mol/L ZnSO₄、0.125 mmol/L EDTA-Fe(Ⅱ)。在对PtxDo转基因水稻进行筛选 时,移苗后使用的营养液中将323 ummol/L NaH₂PO₄·2H₂O 替换为 323 μmmol/L H₃PO₃, 处理 约20 d观察水稻生长情况。温室光照周期为12 h光 照/12 h 黑暗,光照强度为 3 000 lx,白天培养温度为 30 ℃, 夜间培养温度为22 ℃。

1.6 水稻叶面喷施亚磷酸盐试验

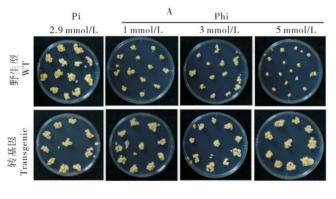
按照本文"1.4"方法中描述的步骤育苗培养

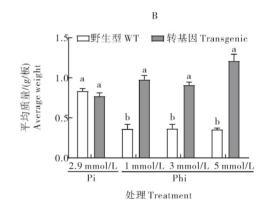
10 d,将幼苗转移至培养容器中,使用 Yoshida solution继续培养。移苗之后对水稻叶片喷施不同浓度的 H_3PO_3 ,共设置了 $4 \cap H_3PO_3$ 浓度,分别为 $0 \cdot 100 \cdot 200 \cdot 400 \text{ mmol/L}$ 。每 3 d 喷施 1 次,处理 12 d后,对水稻表型进行拍照和统计生长情况。

2 结果与分析

2.1 亚磷酸盐对水稻愈伤组织生长的影响

分别利用野生型水稻 ZH11 和前期研究中创制的 $ptxD_Q$ 超表达水稻种子诱导愈伤组织。将长势良好的愈伤组织转移至不用磷源的培养基上继续培养 14 d,观察亚磷酸盐对水稻愈伤组织生长的影响。正常供磷的培养基中,野生型愈伤组织和 $ptxD_Q$ 超表达愈伤组织均能正常生长且没有显著差异(图 1A、B)。当把培养基中无机磷酸盐替换为不同浓度的亚磷酸盐时,野生型愈伤组织停止生长,并最终发生褐化(图 1A)。相反, $ptxD_Q$ 超表达的愈伤组织在供给不同亚磷酸盐的条件下均能正常生长(图 1A)。此外,不同浓度亚磷酸供应条件下,转基因愈伤的平均质量显著高于野生型愈伤组织(图 1B)。结果表明, $ptxD_Q$ 基因作为筛选标记基因配合亚磷酸盐的体系($ptxD_Q$ /Phi)可用于筛选水稻抗性愈伤组织。





A. 野生型和转基因水稻愈伤组织在不同浓度亚磷酸条件下的生长表型; B. 平板上愈伤组织的平均质量。A. The phenotype of WT and transgenic rice callus on different concentrations of Phi medium; B. Average weight of callus on each plate.

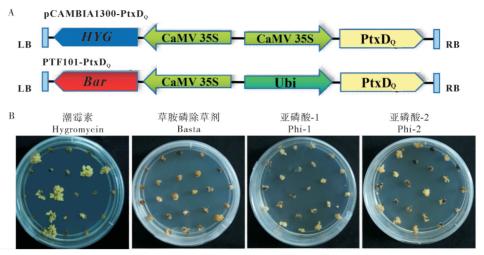
图1 亚磷酸盐对水稻愈伤组织生长的影响

Fig.1 The effect of phosphite on the growth of rice callus

2.2 ptxDq作为筛选标记基因的转化效率分析

为了比较 $ptxD_Q$ /Phi筛选体系与目前常用的水稻筛选体系间的差异,将 $ptxD_Q$ 基因分别装载于pCAMBIA1300和pTF101-Ubi载体中,获得pCAMBIA1300-PtxD_Q和pTF101-PtxD_Q载体(图 2A)。利用pCAMBIA1300-PtxD_Q载体侵染水稻愈伤组织后,使用潮霉素和亚磷酸盐分别筛选转化的水稻愈伤组织。与此类似,利用pTF101-PtxD_Q载体侵染水稻愈

伤组织后,使用草铵膦和亚磷酸盐分别筛选转化的水稻愈伤组织。筛选结果表明,潮霉素和草铵膦作为筛选剂时,均能获得有效的抗性愈伤,其中潮霉素筛选得到的抗性愈伤生长较快,而草铵膦筛选的阳性愈伤生长较慢(图2B)。2个不同浓度的亚磷酸盐筛选的抗性愈伤生长没有显著差异,其生长速度介于潮霉素和草铵膦之间(图2B)。进一步比较潮霉素、草铵膦和亚磷酸盐作为水稻转基因的筛选效率



A:载体构建示意图; B:转基因愈伤组织在不同筛选剂平板上的表型。LB:左边界; RB:右边界; CaMV35S:来自花椰菜花叶病毒的35S启动子; Ubi: Ubiquitin 启动子; HYG: 潮霉素抗性基因; Bar: 草胺磷抗性基因。A: Schematic diagram of vector construction; B: Phenotypes of transgenic callus on plates with different screening agents.LB: Left border; RB: Right border; CaMV35S: 35S promoter from cauliflower mosaic virus; Ubi: Ubiquitin promoter; HYG: Hygromycin resistance gene; Bar: Glufosinate resistance gene

图 2 抗性愈伤组织的筛选

Fig.2 The screening experiment of resistant callus

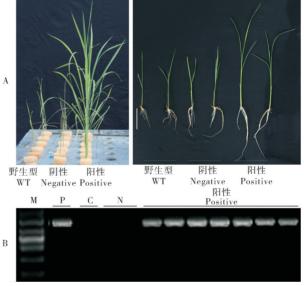
发现,潮霉素作为筛选剂时,阳性愈伤获得率为34.67%,而草铵膦作为筛选剂时,阳性愈伤获得率仅14.33%(表1)。亚磷酸盐作为筛选剂时,亚磷酸盐浓度为1.5 mmol/L时筛选效率为44.37%,亚磷酸盐浓度为3 mmol/L时筛选效率为47.28%(表1)。

表 1 不同筛选条件下水稻愈伤组织的筛选效率
Table 1 Screeing rate of rice callus under different screening conditions

筛选条件 Screening condition	抗性愈伤数 Resistant callus	愈伤总数 Total callus	筛选效率/% Screening rate
潮霉素 Hygromycin	101	300	34.67
除草剂 Basta	48	335	14.33
亚磷酸盐-1 Phi-1	260	586	44.37
亚磷酸盐-2 Phi-2	321	679	42.28

2.3 亚磷酸盐筛选阳性转基因水稻

获得的阳性转基因植株,在 T_1 代和 T_2 代还需要继续筛选纯合体。为了验证 $ptxD_Q$ /Phi体系是否能高效廉价地筛选阳性水稻幼苗,将获得的 T_1 代 $ptx-D_Q$ 超表达转基因水稻种子发芽后,移栽至亚磷酸盐替换正磷酸盐的营养液中。培养 20 d后,野生型(WT)对照由于不能利用亚磷酸盐作为磷源,不能在该营养液中生长(图 3A)。 T_1 代 $ptxD_Q$ 超表达转基因水稻发生明显的分化,一部分幼苗能正常生长,另



A:野生型和转基因水稻在含有亚磷酸盐营养液条件下的生长表型;B: $ptxD_Q$ 引物的PCR检测结果。M:2000 bp marker,P:阳性对照,C:野生型对照,N:转基因阴性,Positive:转基因阳性。A:The growth phenotypes of WT and transgenic rice in nutrient solution containing phosphite; B:PCR detection results used $ptxD_Q$ primers. M:2000 bp marker; P:Positive control; C:WT control; N:Negative for transgene; Positive:Positive for transgene.

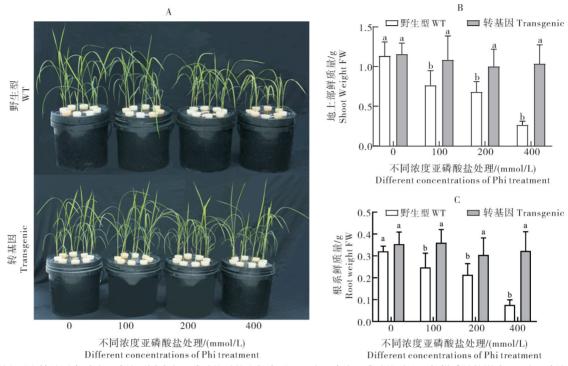
图 3 亚磷酸盐对转基因水稻生长的影响 Fig.3 The effect of phosphite on the growth of transgenic rice

一部分幼苗与野生型对照类似,不能正常生长(图 3A)。利用PCR检测发现,正常生长的幼苗均是转基因阳性植株;相反,不能正常生长的植株则是阴性

分离植株(图3B),这说明亚磷酸盐可以用来筛选阳 性转基因植株。

2.4 叶面喷施亚磷酸筛选转基因水稻

叶面喷施除草剂可用于抗除草剂转基因材料在 温室和田间的筛选。将培养10 d的幼苗转移至正 常营养液中培养,叶面喷施不同浓度的亚磷酸盐(图 4A)。结果显示,随着亚磷酸盐浓度的增加,野生型水稻生长受到显著抑制,而 $ptxD_Q$ 转基因水稻喷施亚磷酸酸盐后生长不受影响(图 4B、C),说明喷施亚磷酸盐也可以用于筛选 $ptxD_O$ 的转基因水稻。



A. 野生型和转基因水稻叶面喷施不同浓度亚磷酸盐后的生长表型; B: 叶面喷施亚磷酸盐对地上部鲜质量的影响; C: 叶面喷施亚磷酸盐对根系鲜质量的影响。A. The growth phenotype of WT and transgenic rice after spraying different concentrations of phosphite on leaves; B: Effect of spraying phosphite on the shoot fresh weight; C: Effect of spraying phosphite on root fresh weight.

图4 叶面喷施亚磷酸盐对转基因水稻生长的影响

Fig.4 The effect of spraying phosphite on the growth of transgenic rice

3 讨 论

生物工程技术的迅速发展,实现了异源或同源优良基因到受体植物的快速转化,并通过筛选标记基因对相关性状进行选择。目前常用的抗生素类、抗除草剂类的筛选标记基因有助于目标植株的高效筛选,但它们对自然环境和人类健康存在的潜在危险逐渐显露。因此,亟需挖掘更高效、灵敏和绿色安全的新型标记基因^[16-22]。

通过改变细胞代谢途径,利用一些特别的营养物质,比如亚磷酸盐和氰胺等,改造微生物可以抑制发酵过程中杂菌的污染,同时避免使用抗生素对环境的危害^[11]。与此类似,亚磷酸脱氢酶作为筛选标记已经应用于玉米、烟草和棉花等作物的转基因过程,但是以上报道的亚磷酸脱氢酶来自于假单胞菌WM88中^[21]。与*ptxD*_{WM88}相比,罗尔斯通菌4506中

的亚磷酸脱氢酶基因 $ptxD_{4506}$ 具有更高活性^[19]。本研究使用的亚磷酸脱氢酶基因(ptxDQ)是利用定向进化技术进一步提高了ptxD4506催化效率的突变蛋白基因。之前的研究证明, $ptxD_Q$ 建立了 $ptxD_Q$ /Phi 的植物磷利用系统,能赋予拟南芥和水稻高效利用亚磷酸盐的能力^[20],这与国内外的相关报道^[21-24]总体一致。

ptxD_Q作为选择标记基因的优点主要有:(1)筛选方式简单,节约筛选成本。在遗传转化的过程中,将选择培养基中的磷酸盐替换成亚磷酸盐即可达到筛选抗性愈伤组织的目的。对于携带ptxD_Q选择标记基因的转基因植物,可以通过在培养体系中添加亚磷酸盐或者叶面喷施亚磷酸盐的方法,筛选出阳性转基因植株。(2)不同于抗生素和除草剂类的负向筛选系统,亚磷酸盐达到筛选目的同时又促进了愈

伤的生长,属于正向筛选系统。(3)低浓度的亚磷酸盐作为一种食品防腐剂使用,对动植物几乎没有毒性,不会危害人类的健康。(4)目前农作物转基因中使用的抗生素或除草剂的筛选方式,对于土壤和地下水资源均有一定程度的潜在威胁,过度使用必将引发严重的环境污染问题。但是 $ptxD_Q$ 作为选择标记基因可以有效规避环境污染问题,暴露于土壤中的亚磷酸盐几个月就会被氧化为正磷酸盐,不会对环境造成污染。虽然 $ptxD_Q$ 作为选择标记基因的优势明显,但是仍有其劣势,即在水稻愈伤组织抗性筛选时,Phi筛选条件下的愈伤组织长势较差。

本研究中愈伤组织抗性筛选的结果表明,ptxD_Q基因结合亚磷酸盐体系不仅用于筛选水稻抗性愈伤,而且比传统的潮霉素和草铵膦系统具有更高的筛选效率。此外,相比于抗生素、除草剂和甘露糖等筛选系统,亚磷酸盐筛选系统更灵敏、更便捷、更绿色环保^[21]。这种基于亚磷酸盐作为筛选剂,ptxD_Q作为筛选标记基因的水稻遗传转化体系的建立,提高了转基因筛选效率,降低了筛选标记基因对自然环境的安全隐患,可为目前农作物转基因研究中存在的一些问题提供有效解决方案,在农作物转基因研究及育种中具有使用潜力。

参考文献 References

- [1] 杨长青,王凌健,毛颖波,等.植物转基因技术的诞生和发展 [J].生命科学,2011,23(2):140-150.YANG C Q,WANG L J,MAO Y B, et al. Development of plant transgenic technology [J]. Chinese bulletin of life sciences, 2011, 23(2):140-150 (in Chinese with English abstract).
- [2] 程琳,黄天晴,刘晨斌,等.鱼类原始生殖细胞标记基因研究进展[J].水产学杂志,2020,33(6):80-88.CHENG L,HUANG T Q,LIU C B, et al. Research perspectives: marker genes of primordial germ cells in fishes[J].Chinese journal of fisheries, 2020,33(6):80-88(in Chinese with English abstract).
- [3] 乐易林,孙宇,王洪成,等. 微生物遗传转化筛选标记及其生物安全性的研究进展[J]. 微生物学通报,2016,43(8):1814-1821.YUE Y L,SUN Y, WANG H C, et al. Advances in selection markers and their bio-safety in applications of transformed microorganisms[J]. Microbiology China, 2016,43(8): 1814-1821(in Chinese with English abstract).
- [4] LOERA-QUEZADA M M, LEYVA-GONZÁLEZ M A, VELÁZQUEZ-JUÁREZ G, et al. A novel genetic engineering platform for the effective management of biological contaminants for the production of microalgae [J]. Plant biotechnology journal, 2016, 14(10); 2066-2076.
- [5] 张启发.大力发展转基因作物[J].华中农业大学学报(社会科学版),2010(1):1-6.ZHANG Q F.Devoting greater effort to transgenic crop cultivation[J].Journal of Huazhong Agricul-

- tural University (social sciences edition), 2010(1): 1-6(in Chinese with English abstract).
- [6] 陈浩,林拥军,张启发.转基因水稻研究的回顾与展望[J].科学通报,2009,54(18):2699-2717. CHEN H, LIN Y J, ZHANG Q F. Review and prospect of transgenic rice research [J]. Chinese science bulletin, 2009,54(18):2699-2717 (in Chinese).
- [7] 郜旭芳. 植物转基因技术的研究和应用[J]. 科协论坛(下半月),2010(4):70-71.GAO X F.Review on transgenic technology and their application [J]. Science & technology association forum,2010(4):70-71(in Chinese).
- [8] 王相春,程在全,曾千春,等.植物筛选标记基因应用进展[J]. 安徽农业科学,2011,39(22):13290-13291,13365.WANG X C, CHENG Z Q, ZENG Q C, et al. Advances in selection marker genes of plant transformation[J].Journal of Anhui agricultural sciences, 2011, 39(22):13290-13291,13365 (in Chinese with English abstract).
- [9] SHAW A J, LAM F H, HAMILTON M, et al. Metabolic engineering of microbial competitive advantage for industrial fermentation processes [J]. Science, 2016, 353(6299): 583-586.
- [10] 张晓娟,李小颖,施海霞,等.造血干细胞全标记红色和绿色 荧光转基因小鼠的筛选[J].中国比较医学杂志,2011,21(5): 14-17,82. ZHANG X J, LI X Y, SHI H X, et al. Selection of transgenic mouse models with totally labeled fluorescence in hematopoietic stem cell[J]. Chinese journal of comparative medicine,2011,21(5):14-17,82(in Chinese with English abstract).
- [11] DALE P J, CLARKE B, FONTES E M G. Erratum: potential for the environmental impact of transgenic crops [J/OL]. Nature biotechnology, 2002, 20(8):843[2021-12-03]. https://doi.org/10.1038/nbt0802-843b.
- [12] 贾士荣. 转基因植物食品中标记基因的安全性评价[J]. 中国 农业科学, 1997, 30(2): 2-16. JIA S R. Safety evaluation of marker genes in transgenic food plants [J]. Scientia agricultura sinica, 1997, 30(2): 2-16 (in Chinese with English abstract).
- [13] 袁冰,丁筠,曹含章,等.草甘膦为筛选标记的水稻高效遗传转化体系的建立[J].云南农业大学学报(自然科学版),2021,36(4):559-565.YUAN B, DING Y, CAO H Z, et al. Establishment of an efficient genetic transformation system for rice with glyphosate as a selection marker[J]. Journal of Yunnan Agricultural University (natural science edition),2021,36(4):559-565(in Chinese with English abstract).
- [14] 郭丹丹,周静文,刘洋,等.转HSSP基因大豆的分子检测和遗传稳定性分析[J].西北植物学报,2021,41(5):719-726. GUO D D, ZHOU J W, LIU Y, et al. Molecular detection and genetic stability analysis of HSSP transgenic soybean[J]. Acta botanica boreali-occidentalia sinica, 2021, 41(5):719-726 (in Chinese with English abstract).
- [15] 岳建雄,张慧军,张炼辉.以对潮霉素抗性为筛选标记的棉花遗传转化[J].棉花学报,2002,14(4):195-199.YUE J X, ZHANG H J,ZHANG L H.Hygromycin resistance as an efficient selectable marker for cotton stable transformation[J].Acta gossypii sinica,2002,14(4):195-199 (in Chinese with English abstract).
- [16] 李文凤,季静,王罡,等.提高转基因植物标记基因安全性策略的研究进展[J].中国农业科学,2010,43(9):1761-1770.LI W F, JI J, WANG G, et al. Strategies on the safety of select-

- able marker genes in transgenic plant[J]. Scientia agricultura sinica, 2010, 43 (9): 1761-1770 (in Chinese with English abstract).
- [17] TICCONI C A, DELATORRE C A, ABEL S. Attenuation of phosphate starvation responses by phosphite in *Arabidopsis* [J]. Plant physiology, 2001, 127(3):963-972.
- [18] COSTAS A M G, WHITE A K, METCALF W W.Purification and characterization of a novel phosphorus-oxidizing enzyme from *Pseudomonas stutzeri* WM88[J]. Journal of biological chemistry, 2001, 276(20):17429-17436.
- [19] HIROTA R, YAMANE S T, FUJIBUCHI T, et al. Isolation and characterization of a soluble and thermostable phosphite dehydrogenase from *Ralstonia* sp. strain 4506 [J]. Journal of bioscience and bioengineering, 2012, 113(4):445-450.
- [20] LIU T T, YUAN L L, DENG S R, et al. Improved the activity of phosphite dehydrogenase and its application in plant biotechnology [J/OL]. Frontiers in bioengineering and biotechnology, 2021, 9: 764188 [2021-12-03]. https://doi.org/10.3389/fbioe.2021.764188.
- [21] LÓPEZ-ARREDONDO D L, HERRERA-ESTRELLA L.A novel dominant selectable system for the selection of transgen-

- ic plants under *in vitro* and greenhouse conditions based on phosphite metabolism[J].Plant biotechnology journal, 2013, 11 (4):516-525.
- [22] 田野,柴薇薇,包爱科,等.生物安全型选择标记基因及其应用研究进展[J].植物生理学报,2017,53(3):352-362.TIANY,CHAIWW,BAOAK,et al.Research progress of biosafety selectable marker genes[J].Plant physiology journal,2017,53(3):352-362(in Chinese with English abstract).
- [23] PANDEYA D, LÓPEZ-ARREDONDO D L, JANGA M R, et al. Selective fertilization with phosphite allows unhindered growth of cotton plants expressing the *ptxD* gene while suppressing weeds[J].PNAS, 2018, 115(29): E6946-E6955.
- [24] 余桂珍,袁航,罗著,等.一种基于亚磷酸盐及其脱氢酶的植物磷利用和杂草控制系统的建立[J].生物工程学报,2019,35 (2):327-336.YU G Z,YUAN H,LUO Z,et al. Establishment of a plant phosphorus utilization and weed control system based on phosphite and its dehydrogenase[J]. Chinese journal of biotechnology,2019,35(2):327-336 (in Chinese with English abstract).

Using phosphite dehydrogenase as a screening marker gene in rice genetic transformation

LIU Tongtong, LIU Siqi, YUAN Lili, WANG Chuang

Microelement Research Center/Ministry of Agriculture and Rural Affairs Key Laboratory of Arable Land Conservation (Middle and Lower Reaches of Yangtse River)/College of Resources and Environment,

Huazhong Agricultural University, Wuhan 430070, China

Abstract Screening marker genes play a crucial role in plant genetic transformation, and the development of safe and efficient screening marker genes is of great significance for transgenic crops. The potential of the phosphite dehydrogenase gene $ptxD_Q$ with high catalytic activity as a screening marker gene for rice genetic transformation was comprehensively evaluated by means of tissue culture, nutrient solution screening and foliar spraying. The results showed that when $ptxD_Q$ gene was used as a screening marker, the screening efficiency of resistant callus was about 44.37%-47.28%, significantly higher than that of the resistance genes including hygromycin and glufosinate. The positive transgenic seedlings can be screened by simply culturing transformed seedlings in the culture medium with phosphite as the only phosphorus source. In addition, a method for screening transgenic seedlings by foliar spraying of phosphite was established. Phosphite is less expensive and less polluting than the current antibiotic and herbicide screening systems. As a forward screening system, it has high screening efficiency and has potential value in studying transgenic crops and developing sustainable agriculture.

Keywords genetic transformation; screening marker; phosphite dehydrogenase; phosphite; rice